



黄捷，南方科技大学公共卫生及应急管理学院副教授、研究员、博士生导师、公共卫生及应急管理学院应急管理研究中心执行主任。北京大学全球健康发展研究院兼职研究员，深圳市海外高层次人才“孔雀计划”B类人才。先后获得北京医科大学预防医学学士、北京体育大学运动人体科学硕士、密西根大学信息科学硕士、北卡罗莱纳大学卫生管理学硕士、剑桥大学生物科学博士。曾任哈佛大学医学院讲师、美国退伍军人事务部波士顿荣军医院资深科学家。累计发表SCI论文近百篇，H-指数50，总引用14000+，其中包括在《自然》、《自然通讯》、《血液》、《核酸研究》、《生物信息》等国际一流杂志上发表的第一作者文章。科普著作《基因的名义》（2018年）和《核酸的前世今生》（2022年），作者。深圳市疾病预防控制中心事业发展规划“十四五”规划，撰稿人。国家重点研发计划项目“健康预期寿命及其价值的测算技术与影响因素研究”，课题负责人。

研究领域:

1. 基于人群大队列和分子流行病学（包括全基因组关联分析 GWAS、多基因风险评估 PRS、孟德尔随机化）的慢性病决定因素研究；
2. 基于个体基因组测序数据的罕见病（包括自闭症）的病因学研究；
3. 基于病原微生物全基因组的系统发生树（phylogeny）方法学和溯源研究；
4. 基于全球大流行性传染病（包括新冠肺炎）大数据的疫情防控策略研究；

代表论文:

1. **Huang J**, et al. Genomics and phenomics of body mass index reveals a complex disease network. *Nature Communications*. Dec 2022.
2. **Huang J**, McLean GR, Dubee FC, Zheng Z. Two pandemics in China, One Health in Chinese. *BMJ Global Health*. 2022 Mar;7(3).
3. **Huang J**, Liang ZS, Pallotti S, Ranson JM, Llewellyn DJ, Zheng ZJ, King DA, Zhou Q, Zheng H, Napolioni V*. PAGEANT: personal access to genome and analysis of natural traits. *Nucleic Acids Research*. 2022 Apr 22;50(7):e39.
4. **Huang J**, et al. A Next Generation Sequencing-Based Protocol for Screening of Variants of Concern in Autism Spectrum Disorder. *Cells*. 2021 Dec 21;11(1).
5. Walter K#, Min JL#, **Huang J#**, Crooks L#, Memari Y, McCarthy S, Perry JR, Xu C, Futema M, Lawson D, Iotchkova V, Schiffels S, Hendricks AE, Danecek P, Li R, Floyd J, Wain LV, Barroso I, Humphries SE, Hurler ME, Zeggini E, Barrett JC, Plagnol V, Richards JB, Greenwood CM, Timpson NJ, Durbin R, Soranzo N. The

UK10K project identifies rare variants in health and disease. *Nature*. 2015 Oct 1;526(7571):82-90.

6. **Huang J**, Howie B, McCarthy S, Memari Y, Walter K, Min JL, Danecek P, Malerba G, Trabetti E, Zheng HF, Gambaro G, Richards JB, Durbin R, Timpson NJ, Marchini J, Soranzo N. Improved imputation of low-frequency and rare variants using the UK10K haplotype reference panel. *Nature Communications*. 2015 Sep 14;6:8111.
7. **Huang J**, et al. Genome-wide association study for circulating tissue plasminogen activator levels and functional follow-up implicates endothelial STXBP5 and STX2. *Arteriosclerosis, Thrombosis, and Vascular Biology (ATVB)*. 2014 May;34(5):1093-101.
8. **Huang J**, et al. Genome-wide association study for circulating levels of PAI-1 provides novel insights into its regulation. *Blood*. 2012 Dec 6;120(24):4873-81.
9. **Huang J**, Johnson AD, O'Donnell CJ. PRIME: a method for characterization and evaluation of pleiotropic regions from multiple genome-wide association studies. *Bioinformatics*. 2011 May 1;27(9):1201-6.
10. **Huang J**, Perlis RH, Lee PH, Rush AJ, Fava M, Sachs GS, Lieberman J, Hamilton SP, Sullivan P, Sklar P, Purcell S, Smoller JW. Cross-disorder genomewide analysis of schizophrenia, bipolar disorder, and depression. *American Journal of Psychiatry*. 2010 Oct;167(10):1254-63.